

© В.А. Гриценко, В.В. Андрейчев, 2017

УДК 616.993.1

В.А. Гриценко, В.В. Андрейчев

УРОГЕНИТАЛЬНЫЙ ТРИХОМОНИАЗ У МУЖЧИН: 3. ОСЛОЖНЕНИЯ И ИХ ЭТИОЛОГИЧЕСКАЯ СВЯЗЬ С АССОЦИАТИВНОЙ МИКРОФЛОРОЙ

Институт клеточного и внутриклеточного симбиоза УрО РАН, Оренбург, Россия

В работе приводятся литературные данные и результаты собственных исследований об этиологии инфекционно-воспалительных осложнений урогенитального трихомониаза у мужчин. Охарактеризован патогенный биофильный доминантных урогенитальных микроорганизмов (*Staphylococcus aureus*, коагулазоотрицательные стафилококки, энтеробактерии). Обоснована этиологическая роль ассоциативной урогенитальной микрофлоры в развитии инфекционно-воспалительных осложнений трихомониаза у мужчин и оптимизирован алгоритм диагностики указанных осложнений.

Ключевые слова: мужчины, урогенитальный трихомониаз, *Trichomonas vaginalis*, инфекционно-воспалительные осложнения, урогенитальная микрофлора, *Staphylococcus aureus*, коагулазоотрицательные стафилококки, энтеробактерии, факторы патогенности и персистенции.

V.A. Gritsenko, V.V. Andreichev

UROGENITAL TRICHOMONIASIS IN MEN: 3. COMPLICATIONS AND THEIR ETIOLOGICAL RELATIONSHIP WITH ASSOCIATIVE MICROFLORA

Institute of Cellular and Intracellular Symbiosis UrB RAS, Orenburg, Russia

The paper cites the literature data and the results of our own studies about the etiology of infectious and inflammatory complications of urogenital trichomoniasis in men. The pathogenic bioprofile of dominant urogenital microorganisms (*Staphylococcus aureus*, coagulase-negative staphylococci, enterobacteria) is characterized. The etiological role of the associative urogenital microflora in the development of infectious and inflammatory complications of trichomoniasis in men was substantiated and the algorithm for diagnosing these complications was optimized.

Key words: men, urogenital trichomoniasis, *Trichomonas vaginalis*, infectious and inflammatory complications, urogenital microflora, *Staphylococcus aureus*, coagulase-negative staphylococci, enterobacteria, pathogenicity and persistence factors.