

© Ю.В. Соболева, С.Б.Фадеев, 2013

УДК: 616.322-002

Ю.В. Соболева^{1,2}, *С.Б.Фадеев*^{1,2}

ТАКСОНОМИЧЕСКОЕ РАЗНООБРАЗИЕ МИКРОБНЫХ БИОЦЕНОЗОВ НОСА И МИНДАЛИН ЗДОРОВЫХ ЛИЦ И БОЛЬНЫХ ХРОНИЧЕСКИМ ТОНЗИЛЛИТОМ

¹ Институт клеточного и внутриклеточного симбиоза УрО РАН, г. Оренбург, Россия

² Оренбургская государственная медицинская академия, г. Оренбург, Россия

Цель. Изучение видового разнообразия биотопов верхних дыхательных путей здоровых людей и изменений в составе микрофлоры, возникающих при хроническом тонзиллите.

Материалы и методы. В работе были использованы 728 штаммов микроорганизмов, выделенных со слизистых оболочек миндалин и полости носа клинически здоровых лиц и больных хроническим тонзиллитом. Идентификация до вида проводилась с помощью тест-систем LaChema (Чехия).

Результаты. Установлено, что на слизистой носа у здоровых лиц и больных тонзиллитом чаще встречались *Staphylococcus* spp. (55,8% и 51, 5% соответственно). На слизистой миндалин здоровых лиц индигенной была негемолитическая стрептококковая флора (45,7%), а стафилококки преимущественно высевались от больных (53%). При хроническом тонзиллите в микробиоценозах слизистых как миндалин, так и носа наблюдалось снижение видового разнообразия микрофлоры, исчезновение непатогенных видов микроорганизмов и появление *S. aureus*, *S. warneri* и *S. haemolyticus*.

Заключение. Установлено, что микробиоценозы слизистых миндалин и носа здоровых лиц существенно различаются по таксономическому составу микроорганизмов, а микрофлора этих биотопов при хроническом тонзиллите характеризуется сходством, в том числе за счет появления патогенных стафилококков и стрептококков.

Ключевые слова: микрофлора верхних дыхательных путей, хронический тонзиллит, стафилококки, стрептококки.

Yu. V. Soboleva^{1,2}, *S. B. Fadeev*^{1,2}

TAXONOMIC DIVERSITY OF MICROBIAL BIOCECENOSIS OF THE NOSE AND TONSILS OF HEALTHY PERSONS AND PATIENTS WITH CHRONIC TONSILLITIS

¹ Institute of cellular and intracellular symbiosis UB RAS, Orenburg, Russia.

² Orenburg State Medical Academy, Orenburg, Russia.

Aim. Study of species diversity biotopes of the upper respiratory tract of healthy people and changes in the composition of the microflora, resulting in chronic tonsillitis.

Materials and methods. We used 728 strains of microorganisms isolated from the tonsils mucosa and nasal mucosa of healthy persons and patients with chronic tonsillitis. Identification to the species was done using test systems LaChema (Czech Republic).

Results. *Staphylococcus* spp. were more frequent in the nasal mucosa of healthy individuals and patients tonsillitis (55.8% and 51, 5%, respectively) was established. Nonhemolytic streptococci (45.7%) of the mucous tonsils of healthy persons were the indigenous microorganisms and *Staphylococcus* mainly were allocated from patients (53%). Reduction in species diversity of microflora, elimination of non-pathogenic microbial species and the emergence of *S. aureus*, *S.*

warneri and *S. haemolytitsus* in microbiocenoses of mucous in the tonsils as well as the nose was observed in chronic tonsillitis.

Conclusion. Microbiocenoses tonsils and nasal mucous membranes of healthy persons vary considerably in taxomonical structure of microorganisms and microflora of these biotopes in chronic tonsillitis is characterized by similarity, including due to the appearance of pathogenic staphylococci and streptococci was established.

Key words: upper respiratory tract's microflora, chronic tonsillitis, staphylococci, streptococci.